



HOME    MANUAL    INDEX INFO    ABOUT US

# iLike

The Best Indexes On Creating Your Life. (ver.0.1, 11th Jan 2017)

Compare the index sequences and detect their similarity  
Input ( Index\_name [tab] Index\_sequence ) for each line.

List format: [Illumina](#), [Bioo NEXTflex48](#), [Bioo NEXTflex96](#), [Agilent SureSelect](#)

Excel format: [Index collection](#)

References	Query (Queries)
Ref01 TGAACCTT	Query01 TGTACC
Ref02 TGCTAAGT	Query02 TGCTGA
Ref03 TGTTCTCT	Query03 CTAGAA
Ref04 TAAGACAC	
Ref05 CTAAATCGA	
Ref06 CTAGAACA	
Ref07 TAAGTTCC	
Ref08 TAGACCTA	

Index sequence cycle of HiSeq run:

Threshold of max mismatch (0~2):

**START YOUR ANALYSIS**

インデックス名 [タブ] 配列の形式

使いそうなインデックス情報

比較対象は1つでも複数でも可

5'側 (左) から何merを比較対象にするか? =インデックスのシーケンスサイクル数

何ミスマッチまで結果を出力するか? 0だと上の長さで切った範囲の完全一致のみ。

© GRAS, All rights reserved | Design by TEMPLATED



# iLike

The Best Indexes On Creating Your Life. (ver.0.1, 11th Jan 2017)

### Thresholds:

Cycle of index sequence: 6

Max mismatch: 2

### Results:

Query01 has similarity with the following

Ref01, 1 mismatch(es)  
TGAACC  
\*\*-\*\*\*  
TGTACC

Ref03, 2 mismatch(es)  
TGTTCCT  
\*\*\*-\*-  
TGTACC

Ref06, 2 mismatch(es)  
TAGACC  
\*--\*\*\*  
TGTACC

2ミスマッチの条件で、  
Query01がReference側の3つ  
と類似性が見つかった。

Query02 has similarity with the following

Ref02, 1 mismatch(es)  
TGCTAA  
\*\*\*\*-x  
TGCTGA

Query03 has similarity with the following

Ref06, 0 mismatch(es)  
CTAGAA  
\*\*\*\*\*  
CTAGAA

0ミスマッチ=完全一致

BACK